微小管内構造の動的変化と生理機能の解析

タンパク質の構造変化と生理機能(課題番号:167103) 研究期間:平成28年7月27日 – 平成31年3月31日 研究代表者:香月美穂 研究者:福田将虎

研究成果

背景と目的

真核生物の細胞骨格の一種である微小管は直径約25 nmの円筒状の繊維で、チューブリンと呼ばれるタンパ ク質が重合して作られる。チューブリンは、α/βチュー ブリンからなるヘテロダイマーで、そのアミノ酸配列は よく保存されており酵母からヒトまで高い相同性を示 す。微小管は、細胞周期にともない重合と脱重合を繰り 返すダイナミックな性質をもつ。また、微小管のダイナ ミクスは温度にも著しく影響を受けることが分かってい る(温度感受性)。例えば、哺乳類の微小管は37℃では 重合するが、4℃では完全に脱重合してしまう。

微小管のダイナミクスは、細胞分裂や細胞内輸送な ど、生理的に非常に重要な役割を果たしている一方、そ の分子メカニズムはいまだ解明されていない。そこで、 本プロジェクトでは、チューブリンタンパク質の構造変 化と生理機能を解明するため、人工的に遺伝子改変を導 入した様々な変異チューブリンを作成し、その機能を解 析した。

まず、チューブリン分子のどの構造が微小管ダイナミ クスに関与しているかヒントを得る為、氷点下の南極海 環境で生息している魚類と比較的温暖な環境に生息する 生物間の微小管の一次構造(Detrich 3rd, et al., 2000) を比較した。我々は、i). a/β チューブリンの M-loop と呼ばれる微小管中でチューブリン分子が隣り合う領域 と、ii). aチューブリン分子内の疎水性の上昇を伴う アミノ酸変異に注目した。

本研究では、発現系由来の内在性チューブリンを厳密 に排除する必要がある。そのため、実験には出芽酵母 (Saccharomyces cerevisiae)のタンパク質発現系を用 いた。酵母は、チューブリン遺伝子が少なく、また哺乳 類で見られるような翻訳後修飾が見つかっていない。し たがって、単一のアイソフォームからなるチューブリン の発現系が構築可能で、この系から精製されるチューブ リンは単一性が極めて高い。このチューブリンを用いる ことで、変異の効果を感度良く解析できる。

チューブリン変異株の作成

出芽酵母は α チューブリンをコードする遺伝子とし て*TUB1とTUB3を、* β チューブリンをコードする遺 伝子として*TUB2*を持つ。*TUB1*および*TUB2*は必須 遺伝子である一方、*TUB3*は必須ではないので、*TUB 3を*ノックアウトした株を用い様々なチューブリン変異 株を作成した。*TUB1とTUB2*をそれぞれ異なる栄養 要求性を持つプラスミドに組み込み、プラスミドシャッ フリングにより(Uchimura et al., 2006)、変異チューブ リン遺伝子を導入した。

本研究で使用した酵母株(MNY00、MNY39、MNY 49、MNY59)の変異の組み合わせを Table.1に示す。 野生型酵母チューブリンをもつ MNY00株に、南極海生 息の魚類に特有にみられる変異を導入し、MNY39、49、 59株の三種類の変異チューブリン株を得た。MNY39、 49、59株はいずれも α/β チューブリンの M-loop 領域に 変異をもち、MNY49、59株では、それに加え、αチュー

Table 1. 本プロジェクトに使用した変異チューブリン 酵母株。M-loop 領域や疎水性アミノ酸に変異を導入し た株には〇を記した。導入した疎水性アミノ酸はL、ロ イシン、F、フェニルアラニンを示している。

strain	M-loop 疎水性の上昇	
MNY00		
MNY39	\bigcirc	
MNY49	0	\bigcirc (L)
MNY59	0	\bigcirc (F)

ブリンの疎水性の上昇が伴うアミノ酸置換を導入した (MNY49株ではロイシンへ、59株ではフェニルアラニ ンへの置換)。

倍加時間

横軸に培養時間、縦軸に細胞数の自然対数をとったグ ラフに測定結果をプロットし、対数増殖期の点の線形近 似直線の傾きから比増殖速度μを求めた。倍加時間は 次のように算出した。td=ln2/μ…(式1)

(td:倍加時間、µ:比增殖速度)

MNY00、MNY39、MNY49、MNY59株の倍加時間は、 それぞれ2.87±0.25時間、2.57±0.35時間、2.07±0.46 時間、4.80±1.57時間であった。MNY59株の倍加時間 は、MNY00株と比較すると、約1.7倍と著しく長かった けれども、t検定では3回の測定結果のばらつきが大き く、これらの値に有意差があるとは言えなかった。ただ し、ここでは、3回の測定でMNY59株はいずれもMNY 00株に対して倍加時間が大きかったことから、定性的に は信頼に足る結果であると考えている。他の変異チュー ブリン株では、倍加時間に大きな違いは見られなかっ た。



Fig.1 倍加時間

MNY00、MNY39、MNY49、MNY59の3回測定した倍加時間 の平均値はそれぞれ2.87±0.25時間、2.57±0.35時間、2.07±0.46 時間、4.8±1.57時間であった。

温度感受性

次に、増殖への温度の影響を調べた。対数増殖期の酵 母株培養液を様々な希釈系列で YPAD 寒天培地プレー ト上にスポットし、18℃、25℃、30℃、32℃、36℃で3 日間培養した(Fig. 2)。

それぞれの酵母株での増殖速度の差を踏まえ、各温度 で培養したプレートを比較したところ、MNY39は低温

温度	酵母株	希釈倍率					
		100	101	102	103	104	105
36°C	MNY00						
	MNY39						
	MNY49						
	MNY59						
32°C	MNY00						
	MNY39						
	MNY49						
	MNY59	٩	9	12			
	MNY00						
30°C	MNY39						
control	MNY49						
	MNY59						
25°C	MNY00						
	MNY39						
	MNY49						
	MNY59	0	3				
18°C	MNY00						
	MNY39						
	MNY49						
	MNY59						

Fig.2 低温、高温下での各酵母株の増殖

対数増殖期の各酵母の1、10、10°、10°、10°、10°倍の希釈系列 を作成し、YPADプレートへスポットした。18℃、25℃、30℃(コ ントロール)、32℃、36℃で3日間培養した。

下(18℃、25℃)、高温下(32℃、36℃)のいずれも、 30℃で培養した時との生育度合がMNY00と同程度で あった。ところが、MNY49は高温下では、MNY00より 生育度が高かった。一方、低温の25℃では、MNY00よ り生育度が低く、18℃では、MNY00よりも生育度が高 かった。したがって、低温下でのMNY49の増殖への影 響については、今回の実験からは不明である。MNY59 は高温、低温下の両方でMNY00よりも生育度が低かっ た。

以上より、MNY39株は、低温、高温の両方でMNY 00株と同様に増殖したことから、α/β チューブリンの M -loop 領域に導入したアミノ酸変異は、酵母の増殖に関 して温度依存性に影響しないことがわかった。一方、 MNY49株、MNY59株では、少なくとも高温下での増殖 に影響を与えたことから、α チューブリンの疎水性上昇 を伴う変異は、温度感受性に何らかの関係があると示唆 された。特にαチューブリン中のフェニルアラニンへ -52- 福岡大学研究部論集 F7 2019

の変異は、重要であるとみられる。

benomyl(ベノミル)耐性

benomyl は、遊離状態のチューブリン分子に結合し て重合を阻害すると考えており、細胞内でおこる生理イ ベントへの微小管の関与を確認するためによく用いられ る薬剤である。benomyl 濃度が0、25、50、75、100 μg /mlのプレート上での各酵母株の増殖を比較し、増殖不 能になる benomyl 濃度を Fig. 3 に示した。MNY00株の benomyl 耐性は100 μg/ml に対し、MNY39株、MNY49 株では75 μg/ml、MNY59株は50 μg/ml であった。

MNY39、MNY49、MNY59株のいずれもbenomyl耐 性が低下したことは、本実験で導入した微小管への変異 が、酵母株の増殖に影響を及ぼしたと示唆している。特 にMNY59株では、benomyl耐性がMNY00株の半分し かなく、M-loopへの変異に加え、疎水性アミノ酸であ るフェニルアラニンへの変異が存在すると、特により benomylの効果に対して脆弱であることがわかった。 benomylのチューブリン結合部位はこれまでに明らか にされており、これは本実験で導入した部位とは異な る。このことから、単純な benomyl 結合親和性の低下 による影響とは考えにくい。



Fig. 3 benomyl 耐性

0、25、50、75、100µg/mlの benomyl プレート上で30℃、3 日間培養した。各酵母株がコロニーを形成できなくなるベノミル 濃度を示した。

細胞の大きさ

対数増殖期の酵母株の大きさを調べた。出芽している 細胞は、母細胞の直径を測定した(Fig. 4)。それぞれ、 MNY00株4.58±1.02 μ m、MNY39株4.46±0.85 μ m、 MNY49株5.01±0.90 μ m、MNY59株5.96±0.83 μ m であった。これより、MNY39株はMNY00株と細胞の 大きさは変わらないが、疎水性アミノ酸への置換を含む MNY49とMNY59株の細胞は、約10%~30%大きいと いうことがわかった。これらの株では細胞周期のプロセ スに変化が起きている可能性が強く示唆される。



Fig. 4 細胞の大きさ

細胞の直径の平均値はMNY00株4.58±1.02 µm、MNY39株 4.46±0.85 µm、MNY49株5.01±0.90 µm、MNY59株5.96±0.83 µm であった。

芽の形態

一般的に出芽酵母の細胞周期にはG1期、DNA 合成 期(S期)、分裂期(M期)はあるが、はっきりとした G2期はない。また、G1期では no bud、DNA 合成期 (S期)では small bud、分裂期(M期)では large bud を持つことが多いことが知られている。そこで、これら の酵母株の細胞周期の概要をつかむ為、出芽の状態の分 布を調べた。酵母の最も長い径を直径とし、出芽途中の 娘細胞が母細胞の直径の半分より大きな芽を「large bud」、小さな芽を「small bud」とし、その割合を解析 した。その結果、MNY00では no bud72.1%、small bud 2.7%、large bud25.2%であった。MNY39では no bud 68.8%、small bud5.5%、large bud25.7%であった。MNY 49では no bud61.5%、small bud2.9%、large bud35.6%



Fig. 5 酵母株の芽の形態分布

酵母の最も長い径を直径とし、娘細胞の直径が母細胞の半分より小さいものを「small bud」、大きいものを「large bud」とした。 出芽していないものは「no bud」とした。



(エラーバー:95%信頼区間)

Fig. 6 各酵母株の奇形率

各酵母株の奇形細胞の割合は、MNY00 10.8%、MNY39 14.6%、MNY49 13.6%、MNY59 20.7%であった。

であった。MNY59では no bud57.8%、small bud14.7%、 large bud27.5%であった(Fig. 5)。

これより、MNY59株では、他の株に比べ small bud の割合が高く、一方 MNY49株では large bud の割合高 いことがわかった。変異酵母株でも同様の表現系を持つ と仮定すると、MNY59株はS期には入るものの、核の 娘細胞への移動などに問題があり、M 期への進行に問 題が生じているのかもしれない。また、MNY49株では、 large bud を持つ細胞が多く、スピンドルの伸長には問 題はないと考えられるが、細胞の分離に遅延が生じてい る可能性がある。

その上、MNY59株では、奇形の細胞の割合が高かっ た。各酵母株の奇形細胞の割合は、MNY0010.8%、MNY 3914.6%、MNY4913.6%、MNY5920.7%であった(Fig. 6)。奇形細胞には複数箇所から出芽し、母細胞と娘細 胞がくびり切られていないものや、芽が球状ではないオ タマジャクシ様の細胞が多く見られた(Fig.7)。これ らの芽の形態分布の変化や、奇形のメカニズムの解明に は、直接微小管や核の局在の情報を得ることが必須とな る。

Summary

今回の実験で、M-loop 領域のアミノ酸変異のみを持 っ MNY39株では、大きな表現型の変化は見られなかっ た。一方で、αチューブリン内部の疎水性アミノ酸であ るフェニルアラニンへの変異をもつ MNY59株では、温 度感受性の変化、benomyl 耐性、細胞の大きさ、細胞 の形態に大きな差が見られた。また、娘細胞である芽の 大きさの分布から、細胞周期のプロセスの異常が示唆さ れた。これまで M-loop 領域は、分子の表面に存在し、 隣接するチューブリン分子に面しているため、重合、脱 重合などの微小管ダイナミクスに重要な役割を果たして いると考えられていた。しかしながら、今回の実験によ



Fig. 7 MNY59株でみられた奇形酵母細胞 スケールバーは 5 μm。

Fig. 8 G2期とみられる分裂中のGFP変異チューブリン酵母。スピンドル微小管が形成されている(左)。

り、この領域はあまり大きな影響を示さないことが明ら かになった。そして、我々は新たに微小管ダイナミクス の鍵となる候補サイトを発見することが出来た。今後 は、より明確にどの構造が重要なのかを同定するため、 さらに変異チューブリン酵母株の作成を続けるととも に、細胞内での微小管の動態観察、そして精製した変異 チューブリンを用いた in vitro での微小管ダイナミクス 再構成系での詳細なパラメーターの解析へと発展させ る。GFP 融合チューブリンを発現させる酵母株も既に 作成済みである (Fig. 8)。

参考文献

- Detrich HW 3rd, Parker SK, Williams RC Jr, Nogales E, Downing KH.: Cold Adaptation of Microtubule Assembly and Dynamics. J Biol Chem 275(47), 37038, 2000
- Uchimura S, Oguchi Y, Katsuki M, Usui T, Osada H, Nikawa J, Ishiwata S, Muto E.: Identification of a strong binding site for kinesin on the microtubule using mutant analysis of tubulin. *EMBO J*. 13; 25(24): 5932, 2006

研究業績

- 福田 将虎: RNA 修飾機構を利用した RNA 編集技術 の開発:実験医学2018年12月号,羊土社, 2018
- 野瀬可那子、福田将虎: RNA 情報を編集する新たな遺 伝子改変・制御技術実験医学2018年5月号, Next Tech Review, 羊土社, 2018
- Okuma K., Oba A., Kuramoto R., Iwashita H., Nagahora N., Shioji K., Noguchi R., Fukuda M.: Synthesis and Fluorescence Property of 1,1-Dimethyl-1,4-Dihydrodibenzo [b,h] [1,6] naphthyridinium Iodides: Turn-on Type Detection of DNA. *Eur. J. Org. Chem.* 6885, doi: 10.1002/ejoc.201701277, 2017
- von Loeffelholz O, Venables NA, Drummond DR, Kat-

suki M, Cross R, Moores CA.: Nucleotide- and Mal3dependent changes in fission yeast microtubules suggest a structural plasticity view of dynamics. *Nature communications*, 8: 2110, 2017

- Fukuda M, Umeno H, Nose K, Nishitarumizu A, Noguchi R, Nakagawa H.: Construction of a guide-RNA for site-directed RNA mutagenesis utilising intracellular A-to-I RNA editing. *Scientific reports*, 7: 41478, 2017
- 香月美穂:微小管中の seam (継ぎ目) は脱重合を引き 起こす。生物物理, 56:230-1, 2016